



Selección y Reducción de atributos

Felipe Bravo

Basado ligeramente en slides previas de
Benjamín Bustos

Selección y Reducción de Atributos

Muchas veces tenemos atributos irrelevantes o redundantes en nuestros datos.

Vamos a ver dos enfoques para atacar este problema.

1. **Selección de atributos:** es un enfoque supervisado donde escogemos el subconjunto de atributos más útil para nuestro problema de clasificación.
2. **Reducción de atributos:** enfoque no-supervisado donde encontramos una proyección de menor dimensionalidad que concentra la información contenida en los datos.

Selección de Atributos

- Es un proceso supervisado que busca encontrar el mejor subconjunto de atributos para una tarea de clasificación/regresión.
- La presencia de atributos irrelevantes o redundantes puede afectar el desempeño de un modelo.

Selección de Atributos

Por ejemplo, agregar un atributo aleatorio (por ende irrelevante) afecta a los árboles de decisión.

- Esto es sorprendente puesto que los árboles están pensados para solo seleccionar atributos relevantes.
- Pero en la práctica es común que el árbol escoja al atributo irrelevante en algún momento del branching y “aprenda” el ruido.
- Piensen que cuando bajamos la profundidad del árbol el splitting se hace sobre menos datos.
- Entonces el atributo irrelevante podría separar las clases por chance en estos datasets pequeños.
- A esto se le llama **fragmentación**.

Selección de Atributos

- KNN es muy sensible a atributos irrelevantes
 - Todos los atributos se ponderan igual en el cálculo de distancias.
 - La clasificación solo se hace sobre pocos datos (los vecinos más cercanos). ¡Un atributo irrelevante afecta mis distancias!
 - En KNN el número de datos de entrenamiento requeridos para realizar buenas clasificaciones aumenta exponencialmente con el número de atributos irrelevantes.

Selección de Atributos

- Naïve Bayes si es robusto a atributos irrelevantes.
 - El valor de $P(A|C)$ es parecido para todas las clases cuando A es irrelevante => el atributo irrelevante es implícitamente ignorado.
- Pero, naïve Bayes es sensible a atributos redundantes (pares de atributos fuertemente correlacionados entre sí).
 - Al asumir independencia condicional entre atributos se amplifica el efecto de los atributos redundantes sobre la clase.
 - Si $A1$ y $A2$ son redundantes, nuestras probabilidades posteriores tendrán el efecto amplificado $P(A1|C)*P(A2|C)$
 - Por otro lado, un árbol tendería a escoger solo uno y descartar el otro.

Enfoques

- Debido al efecto negativo de los atributos irrelevantes para varios métodos de aprendizaje, es común realizar una selección de atributos.
- Una selección manual es muy costosa.
- La selección automática se divide en dos enfoques:
 - a. **Scheme-independent o método de filtro:** evalúa el subconjunto de atributos en base a características generales de los datos.
 - b. **Scheme-dependent o método de wrapper:** evalúa el subconjunto de atributos usando un clasificador (la calidad de los atributos se define por la capacidad predictiva del modelo).

Selección de atributos Scheme-independent

- Los atributos se seleccionan usando alguna métrica calculada a partir de los datos.
 - Ejemplo: Entropía, Mutual Information, Information Gain.
- También se pueden usar algoritmos de aprendizaje **rápidos** que entregan información sobre la utilidad de los atributos:
 - Los atributos escogidos en los nodos de más arriba en un árbol de decisión.
 - Los coeficientes de un modelo lineal con alto valor absoluto.
 - Esto es distinto al enfoque **wrapper** pues no consideramos la capacidad predictiva del modelo.

Scheme-independent attribute selection

Correlation-based Feature Selection (CFS):

- Encontrar atributos que correlacionan con la clase, pero que a la vez tienen poca correlación entre sí:
 - Se mide la correlación entre atributos categóricos usando symmetric uncertainty:

$$U(A, B) = 2 \frac{H(A) + H(B) - H(A, B)}{H(A) + H(B)} \in [0, 1]$$

- $H(A)$, $H(B)$ son la entropía del atributo correspondiente.
- $H(A, B)$ es la entropía conjunta de A, B .

$$H(X, Y) = - \sum_{x \in \mathcal{X}} \sum_{y \in \mathcal{Y}} P(x, y) \log_2 [P(x, y)]$$

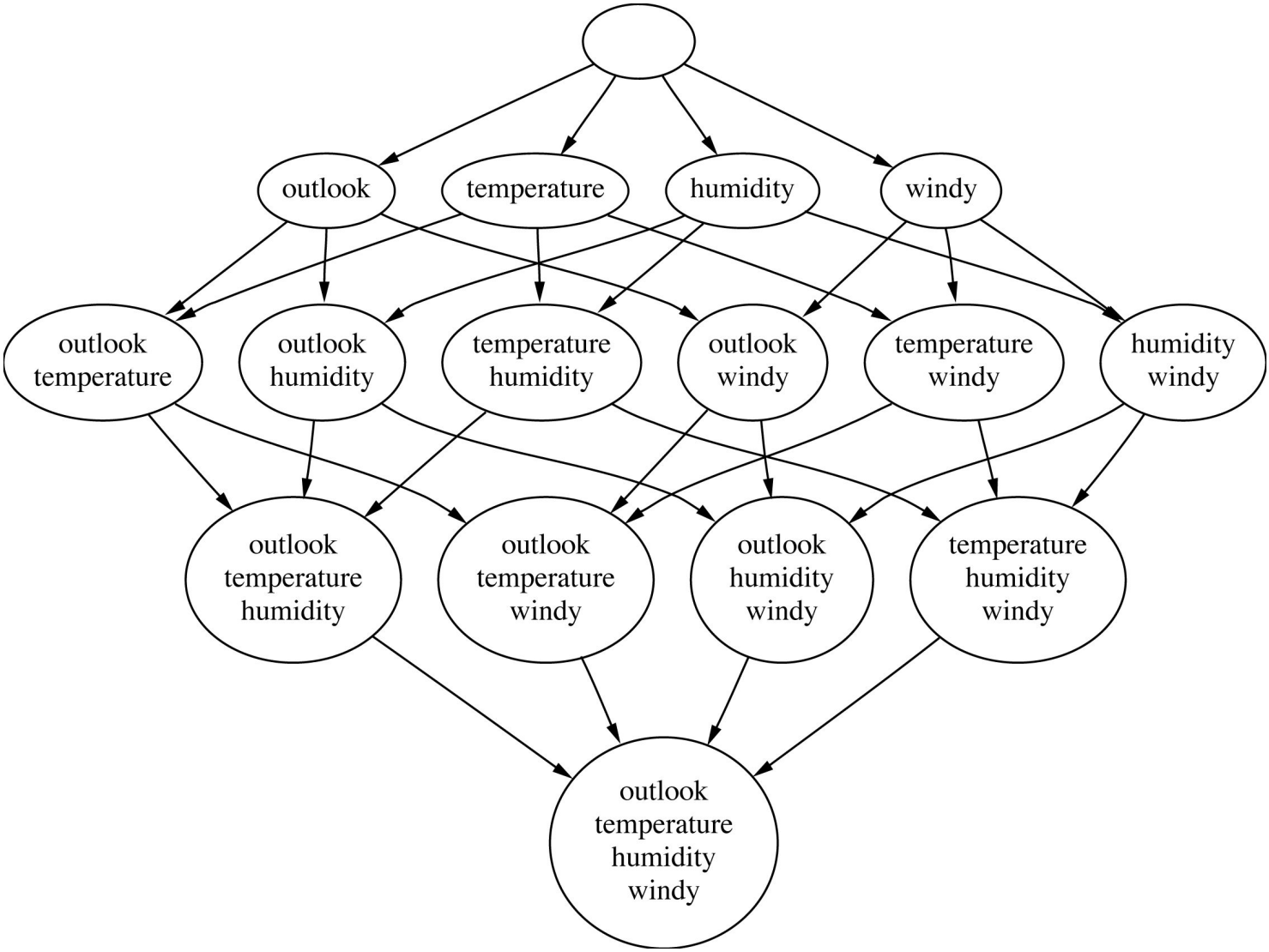
Scheme-independent attribute selection

- CFS mide la calidad de un conjunto de atributos como:

$$\sum_j U(A_j, C) / \sqrt{\sum_i \sum_j U(A_i, A_j)}$$

- Favorece atributos con alta asociación con la clase pero penaliza pares de atributos con alta asociación entre sí.
- Favorece conjuntos más pequeños en caso de empates.

Subconjuntos de atributos para el weather dataset



Buscando en el espacio de atributos

- Necesito recorrer mi espacio de subconjuntos de atributos y evaluar cada candidato según mi “criterio”. El criterio puede venir de un método de filtro o de un método de wrapper.
- El número de subconjuntos posibles de atributos es exponencial sobre el número total de atributos.
- Algunas estrategias greedy (no aseguran encontrar el óptimo):
 - forward selection (top-down): parto con cero atributos y voy agregando atributos uno por uno escogiendo el que maximiza el criterio. Paro cuando no veo mejora al agregar atributos nuevos.
 - backward elimination (bottom-up): parto con todos los atributos y voy sacando atributos a medida que mejore mi criterio.

Buscando en el espacio de atributos

- Estrategias más sofisticadas:
 - **Bidirectional search**: combina forward con backward elimination.
 - **Best-first search**: en vez de parar al no encontrar mejora (usando forward o backward search), mantiene una lista de los subconjuntos de atributos evaluados ordenados según el criterio.
 - Hay que asignarle alguna condición de parada para que no recorra todo el espacio de búsqueda.
 - **Beam search**: aproximación truncada de best-first search. El ancho “width” del beam o “viga” define el número de candidatos a tener guardados en la lista.
 - **Genetic algorithms**: inspirados en el principio de selección natural. La selección de atributos “evoluciona” al combinar subconjuntos de atributos “buenos” según el criterio.

Selección Scheme-specific ó Wrapper (Envoltura)

- Enfoque Wrapper: la selección se hace usando un clasificador sobre el subconjunto de atributos y evaluando su performance (accuracy, F1, AUC).
- El proceso de selección es caro computacionalmente.
- Si cada evaluación se hace con 10-fold cross-validation, debemos ejecutar el algoritmo de aprendizaje 10 veces.

Selección Scheme-specific ó Wrapper (Envoltura)

- Con m atributos, una estrategia “greedy” (forward o backward) multiplica el tiempo de evaluación por un factor proporcional a m^2 en el peor caso.
- Esto es mucho más caro para estrategias de búsqueda más sofisticadas, donde puede llegar a ser orden 2^m para una búsqueda exhaustiva que evalúa los 2^m subconjuntos posibles.
- ¡El enfoque wrapper se porta bien con Naive Bayes!

Reducción de la dimensión

- Proceso de reducir el número de características en un dataset de atributos numéricos de manera no-supervisada.
- Ventajas
 - Elimina ruido y/o características redundantes.
 - Mejora la eficiencia del análisis de los datos.
 - Puede mejorar el rendimiento de un clasificador.
 - Útil para proyectar datos a dos dimensiones y poder visualizar tanto los datos como el resultado del método de clustering.
- Métodos a estudiar:
 - Análisis de Componentes Principales (PCA)
 - Multidimensional Scaling (MDS)

Conceptos matemáticos

- Media de una población

$$\bar{x} = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m x_i$$

- Varianza

$$s^2 = \frac{1}{m-1} \sum_{i=1}^m (x_i - \bar{x})^2$$

Conceptos matemáticos

- Covarianza

$$\text{cov}(x, y) = \frac{1}{m - 1} \sum_{i=1}^m (x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})$$

- Covarianza es conmutativa

- Signo de la covarianza:

- +: ambas dimensiones se incrementan juntas
- -: si una se incrementa, la otra se decrecienta

Conceptos matemáticos

- Matriz de covarianza
 - Para vectores n -dimensionales

$$C^{n \times n} = (c_{ij} | c_{ij} = cov(Dim_i, Dim_j))$$

- Ejemplo con vectores 3-dimensionales

$$C = \begin{pmatrix} cov(x, x) & cov(x, y) & cov(x, z) \\ cov(y, x) & cov(y, y) & cov(y, z) \\ cov(z, x) & cov(z, y) & cov(z, z) \end{pmatrix}$$

Para una matriz X de m vectores donde todos los vectores tienen media cero, se tiene que $X^T X = m\Sigma$ donde Σ es la matriz de covarianza.

Conceptos matemáticos

- Vectores y valores propios

- Se calculan para matrices cuadradas
- Sea \mathbf{A} una matriz de $n \times n$, esta tiene n vectores propios \mathbf{v} (si es que existen) que satisfacen

$$\mathbf{A}\mathbf{v} = \lambda\mathbf{v}$$

- Donde λ es un escalar llamado valor propio.
- Propiedad: vectores propios son ortogonales entre sí.

Conceptos matemáticos

- Vector propio normalizado (unitario): su largo es 1
- Cálculo de valores propios
 - Resolver sistema de ecuaciones lineales

$$\det(A - \lambda I) = 0$$

- Cálculo de los vectores propios

$$(A - \lambda I) \cdot v = 0$$

PCA

- *PCA: Principal Component Analysis*
 - Sirve para encontrar patrones en los datos
 - Sirve para reducir su dimensión sin perder “muchas” información
 - Retiene características de los datos que contribuyen más a su varianza
- También conocida como la transformación Karhunen-Loève (KLT).

Motivación

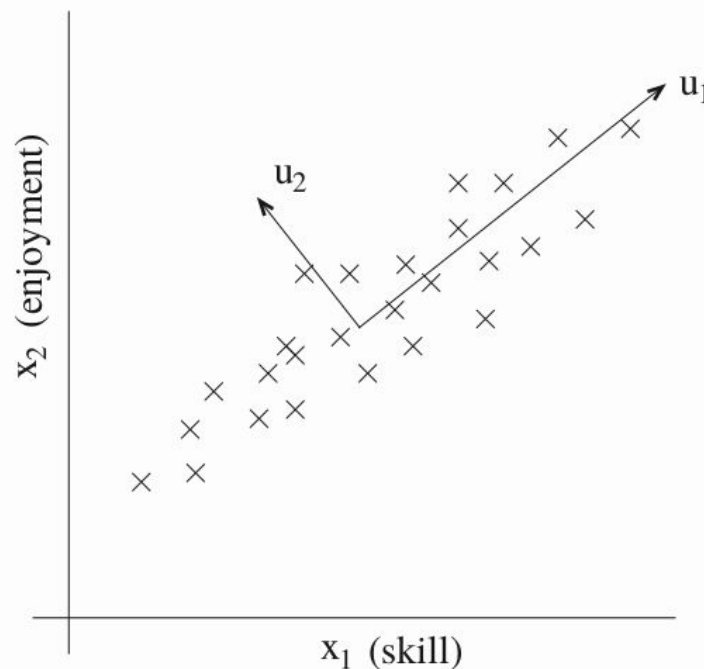
- Supongamos que tenemos un dataset de n atributos y m ejemplos de automóviles:

$$\{x^{(i)}; i = 1, \dots, m\}$$

- Atributos: máxima velocidad, radio de giro, etc..
- Supongamos que hay dos atributos que son la velocidad máxima medida en Km/h y otra en millas por hora, que son casi linealmente dependientes salvo por pequeños redondeos numéricos.
- ¿Cómo podemos detectar y ojalá eliminar esta redundancia?

Motivación

- Otro ejemplos: Tenemos una encuesta hecha a pilotos de helicóptero.
- X_1 corresponde a qué tan habilidoso es el piloto y X_2 corresponde a cuánto disfruta la actividad.
- Cómo ser un buen piloto requiere mucha dedicación es común que los buenos pilotos disfruten mucho de la actividad.



Motivación

- X_1 y X_2 están fuertemente correlacionados.
- De hecho uno podría plantear que los datos están sobre un eje diagonal (la dirección del vector u_1) que capturan el “karma” intrínseco del piloto
- Luego u_2 proyecta el ruido.
- ¿Cómo podemos calcular la dirección de u_1 automáticamente?
- Antes de explicar PCA tenemos que normalizar los datos para que tengan media nula y varianza unitaria:

1. Let $\mu = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m x^{(i)}$.

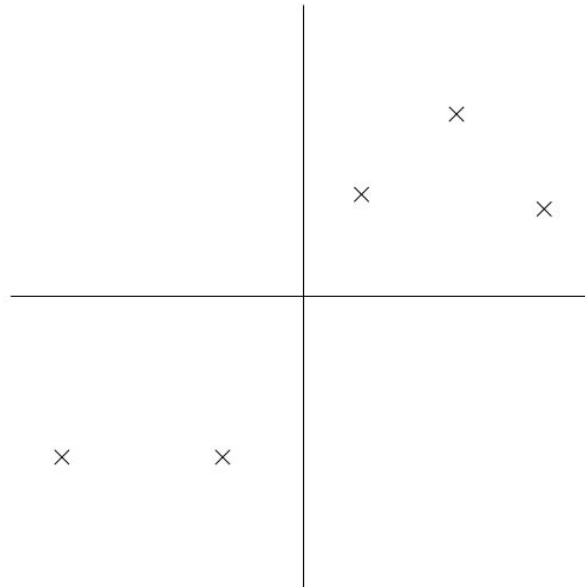
2. Replace each $x^{(i)}$ with $x^{(i)} - \mu$.

3. Let $\sigma_j^2 = \frac{1}{m} \sum_i (x_j^{(i)})^2$

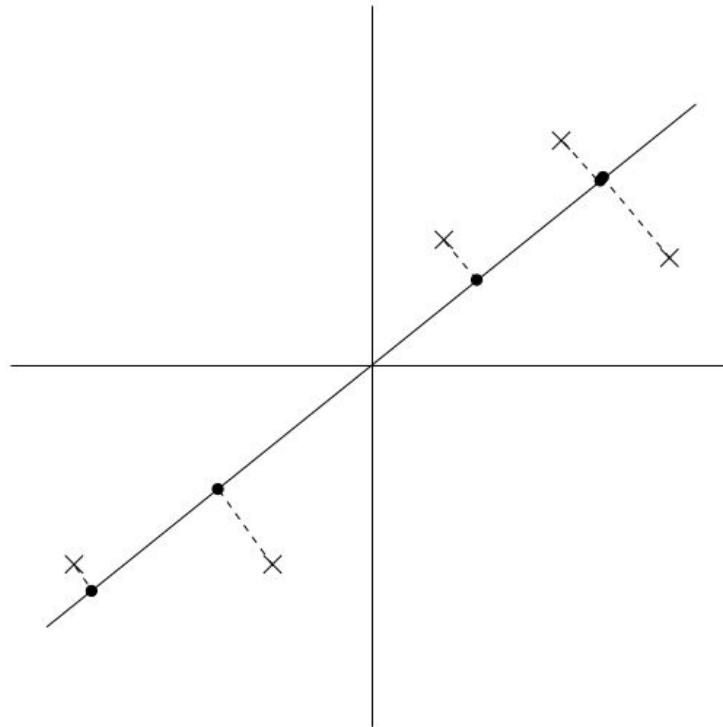
4. Replace each $x_j^{(i)}$ with $x_j^{(i)} / \sigma_j$.

PCA

- Nuestro objetivo es encontrar un vector unitario u ($\|u\| = 1$), tal que cuando proyectemos los datos al eje definido por u la varianza se maximice.
- Ejemplo: Sea el siguiente dataset

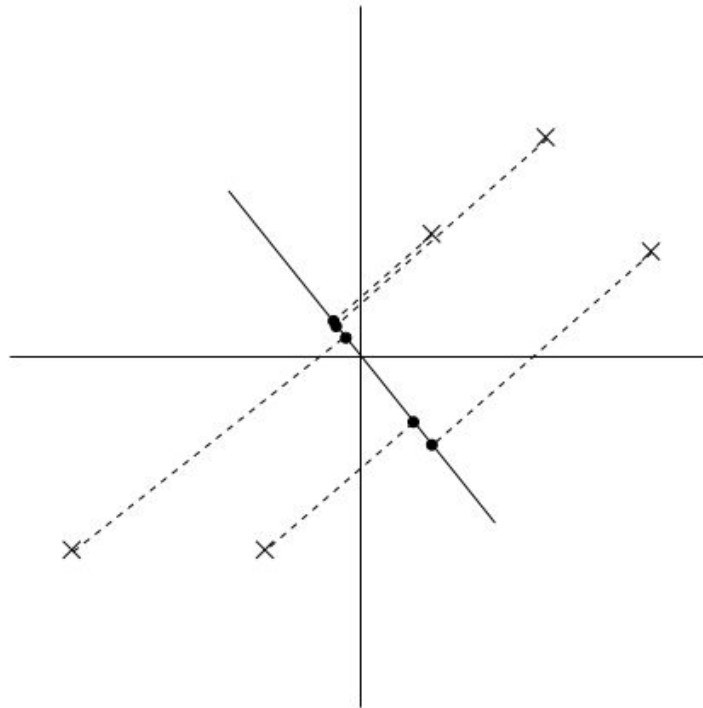


PCA



- Los círculos reflejan la proyección de los datos originales sobre la línea.
- Los datos proyectados tienen alta varianza y están lejos de cero.

PCA



- Si proyectos en otra dirección, los datos proyectados tienen mucho menos varianza y están más cerca del origen.

PCA

- Nuestro objetivo es encontrar automáticamente la dirección \mathbf{u} que proyecta los datos a una máxima varianza.
- Sea \mathbf{u} un vector unitario y otro vector \mathbf{v} .
- Por el álgebra lineal sabemos que $\mathbf{u} \cdot \mathbf{v} = \|\mathbf{u}\| \|\mathbf{v}\| \cos(\theta)$
- Esto se puede reordenar como:

$$\mathbf{u} \cdot \mathbf{v} = (\|\mathbf{v}\| \cos(\theta)) \|\mathbf{u}\| = \mathbf{v}_u \|\mathbf{u}\|$$

- Donde $\mathbf{v}_u = \|\mathbf{v}\| \cos(\theta)$, representa el largo de \mathbf{v} en la dirección de \mathbf{u} .

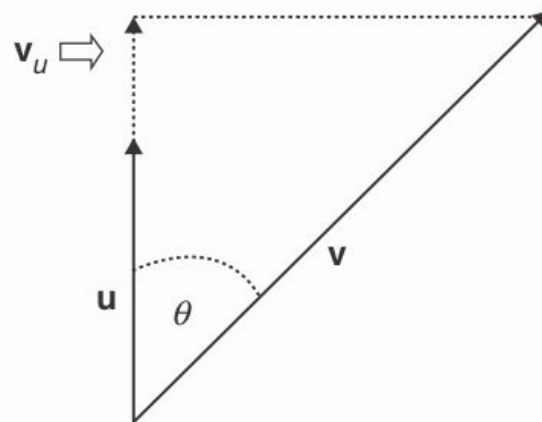


Figure A.2. Orthogonal projection of vector \mathbf{v} in the direction of vector \mathbf{u} .

PCA

- Como \mathbf{u} es vector unitario $\Rightarrow \|\mathbf{u}\| = 1$
- Entonces si \mathbf{u} es un vector unitario, el producto punto $\mathbf{u} \cdot \mathbf{v}$ es la proyección del vector \mathbf{v} en \mathbf{u} .
- A esto se le llama la proyección ortogonal de \mathbf{v} en \mathbf{u} .

PCA

- Entonces, sea \mathbf{u} un vector unitario y \mathbf{x} un ejemplo de nuestro dataset
- Por lo visto anteriormente sabemos que la proyección de \mathbf{x} sobre \mathbf{u} se puede calcular como $\mathbf{x}^T \mathbf{u}$.
- Entonces para maximizar la **varianza de la proyección** tenemos que encontrar un vector unitario \mathbf{u} que maximice la siguiente ecuación:

$$\begin{aligned}\frac{1}{m} \sum_{i=1}^m (x_{(i)}^T \cdot u)^2 &= \frac{1}{m} (Xu)^T (Xu) \\ &= \frac{1}{m} u^T X^T X u = u^T \frac{X^T X}{m} u \\ &= u^T \Sigma u\end{aligned}$$

Donde Σ

es la matriz de covarianza asumiendo que los datos tiene media nula.

PCA

- Maximizar la ecuación anterior sujeto a que $\|u\|_2=1$ nos da el vector propio principal de la matriz de covarianza Σ .
- La restricción $\|u\|_2=1$ equivale a decir que $u^T u = 1$
- Entonces queremos resolver el siguiente problema:

$$\begin{aligned} & \max_u u^T \Sigma u \\ & \text{sujeto a } u^T u = 1 \end{aligned}$$

Esto usando multiplicadores de Lagrange equivale a:

$$\mathcal{L}(u, \lambda) = u^T \Sigma u - \lambda(u^T u - 1)$$

OJO: Σ es la matriz de covarianza (no es una sumatoria)

PCA

Maximizamos u , derivando e igualando a cero:

$$\nabla_u \mathcal{L} = \Sigma u - \lambda u$$

Y eso nos da: $\Sigma u = \lambda u$

- Esta es exactamente la ecuación para encontrar el vector propio de Σ .
- El vector propio principal (de máxima varianza) se asocia al mayor valor propio λ .
- Si queremos reducir mis datos a k dimensiones, escojo los vectores propios u_1, u_2, \dots, u_k de mi matriz de covarianza asociados a los k valores propios más grandes.
- Los vectores propios son ortogonales entre sí.

PCA

- Algoritmo (entrada: vectores en \mathbb{R}^d):
 1. Centrar los datos y normalizar los datos: restar la media en cada dimensión y normalizar por la desviación estándar.
 2. Calcular la matriz de covarianza

$$\hat{C} = \begin{pmatrix} cov(\hat{x}, \hat{x}) & cov(\hat{x}, \hat{y}) & cov(\hat{x}, \hat{z}) \\ cov(\hat{y}, \hat{x}) & cov(\hat{y}, \hat{y}) & cov(\hat{y}, \hat{z}) \\ cov(\hat{z}, \hat{x}) & cov(\hat{z}, \hat{y}) & cov(\hat{z}, \hat{z}) \end{pmatrix}$$

PCA

- Algoritmo:
 3. Calcular valores y vectores propios (normalizados) de la matriz de covarianza
 4. Elegir componentes principales
 - Ordenar valores propios en orden descendente
 - Primer componente principal: vector propio asociado al valor propio mayor
 - Segundo componente principal: vector propio asociado al segundo valor propio mayor
 - Etc.

PCA

- Algoritmo:

4. Transformada lineal:

$$W = (eig_1; eig_2; \dots; eig_d)$$

5. Transformación de los datos:

$$y = W^T \cdot \hat{x}$$

PCA

- Reconstrucción de los datos

$$x = \left((W^T)^{-1} \cdot y \right) + \bar{x} == \left((W^T)^T \cdot y \right) + \bar{x} = (W \cdot y) + \bar{x}$$

En matrices ortogonales (como W) la inversa es equivalente a la transpuesta.

Ejemplo

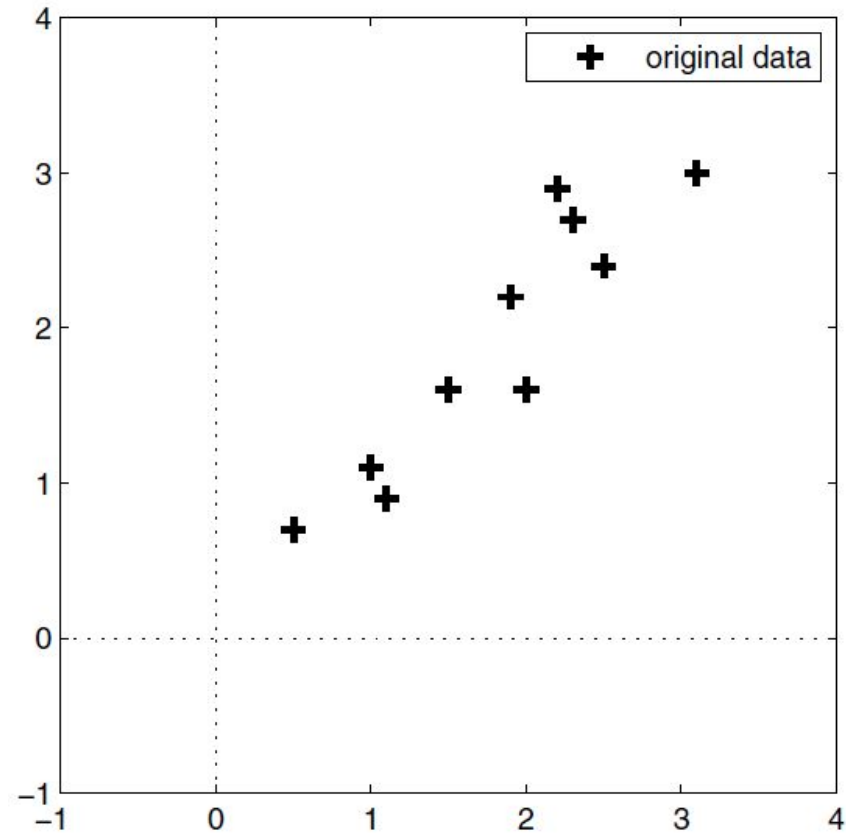


Fig. 3.10. Original PCA data plot.

Ejemplo

- Cálculo de matriz de covarianza

$$\hat{\Sigma} = \begin{pmatrix} 0.61656 & 0.61544 \\ 0.61544 & 0.71656 \end{pmatrix}$$

- Notar correlación positiva entre ambas dimensiones

Ejemplo

- Valores propios:

$$\lambda_1 = 0.049083 \text{ and } \lambda_2 = 1.284$$

- Vectores propios (columnas):

$$\begin{pmatrix} -0.73518 & -0.67787 \\ 0.67787 & -0.73518 \end{pmatrix}$$

Ejemplo

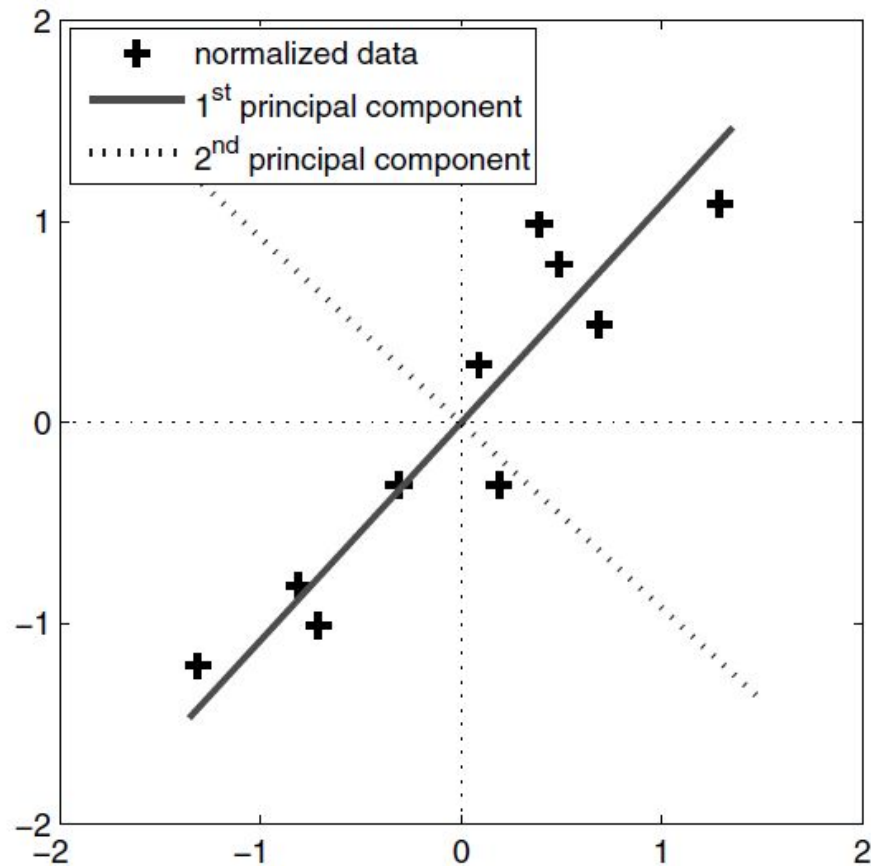


Fig. 3.11. Normalized PCA data and the principal components.

Ejemplo

- Eligiendo componentes principales:

$$W = (w_1; w_2) = \begin{pmatrix} -0.67787 & -0.73518 \\ -0.73518 & 0.67787 \end{pmatrix}$$

- Transformar datos

$$y = W^T \cdot \hat{x}$$

Reducción de dimensión

- Se eligen sólo las k componentes principales más significativas para formar la matriz de transformación
 - Esto reduce la dimensión de los datos a k
- Para el ejemplo: reducir a una dimensión

$$W = (w_1) = \begin{pmatrix} -0.67787 \\ -0.73518 \end{pmatrix}$$

Reducción de dimensión

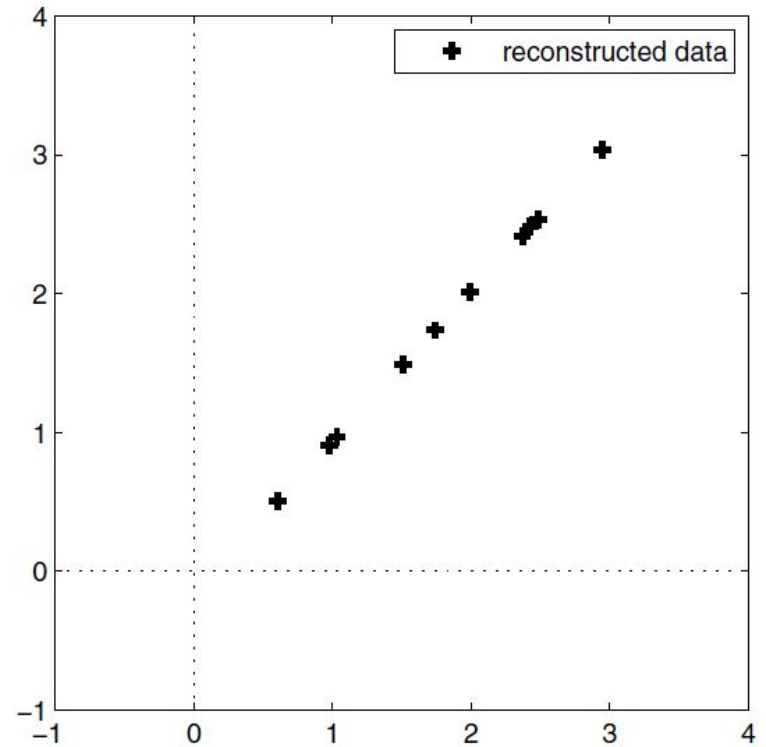
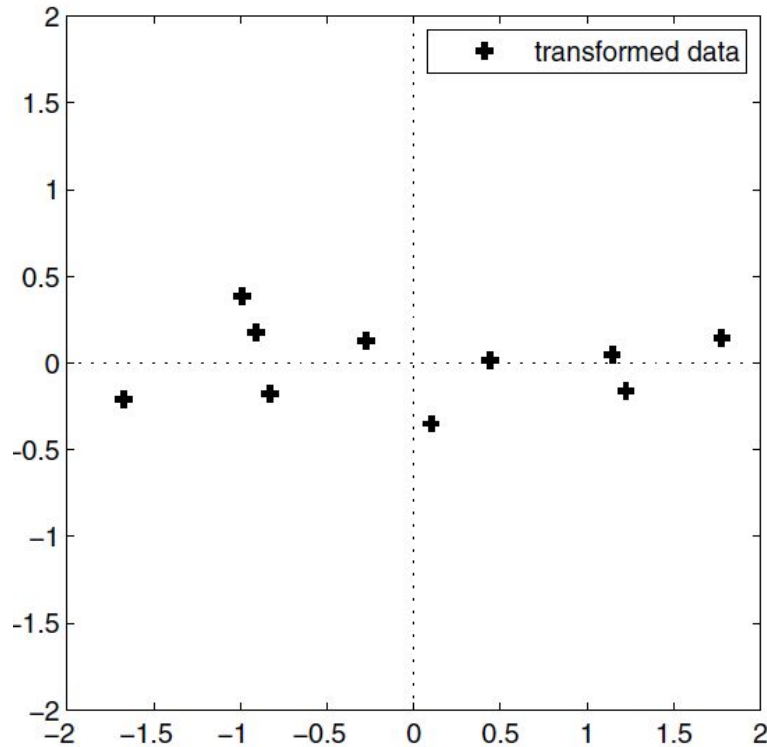


Fig. 3.12. *Left:* transformed PCA data plot; *right:* reconstructed data transformed using a single principal component.

Implementación en Numpy

```
1 from numpy import array
2 from numpy import mean
3 from numpy import cov
4 from numpy.linalg import eig
5 # define a matrix
6 A = array([[1, 2], [3, 4], [5, 6]])
7 print(A)
8 # calculate the mean of each column
9 M = mean(A.T, axis=1)
10 print(M)
11 # center columns by subtracting column means
12 C = A - M
13 print(C)
14 # calculate covariance matrix of centered matrix
15 V = cov(C.T)
16 print(V)
17 # eigendecomposition of covariance matrix
18 values, vectors = eig(V)
19 print(vectors)
20 print(values)
21 # project data
22 P = vectors.T.dot(C.T)
23 print(P.T)
```

Fuente:

<https://machinelearningmastery.com/calculate-principal-component-analysis-scratch-python/>

Comentarios

- PCA sirve para visualizar datos multidimensionales al proyectar a dos dimensiones.
- PCA ayuda a métodos basados en distancias (KNN, K-means) que sufren con la maldición de la dimensionalidad
- Nuestros nuevos atributos pierden interpretabilidad.
- Complejidad: Para n atributos y m datos, calcular la matriz de covarianza cuesta $O(n^2m)$, la descomposición en vectores propios es $O(n^3)$.
- Complejidad es $O(n^2m+n^3)$.

- Los componentes principales también se pueden obtener aplicando descomposición por valores singulares SVD sobre la matriz de datos (en vez de usar la matriz de covarianza)
- SVD tiende a ser más estable.

PCA: Ejemplo EigenFaces

input: dataset of N face images

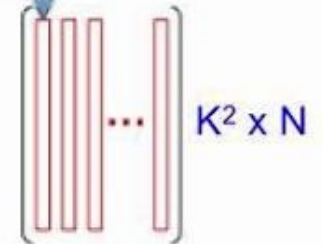


face: $K \times K$ bitmap of pixels



“unfold” each bitmap to K^2 -dimensional vector

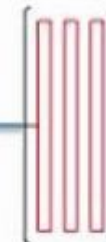
arrange in a matrix
each face = column



“fold” into a $K \times K$ bitmap



PCA



set of m eigenvectors
each is K^2 -dimensional

Otras técnicas

- Autoencoders
 - Red neuronal que reconstruye los datos. Se usa la capa intermedia como una representación.
- t-Distributed Stochastic Neighbor Embedding (TSNE).
 - Modela cada objeto de alta dimensión por un punto de dos o tres dimensiones de tal manera que los objetos similares son modelados por puntos cercanos y los objetos diferentes son modelados por puntos distantes con alta probabilidad.
 - ¡Técnica muy buena para la visualización!
 - Explicado en este video: <https://www.youtube.com/watch?v=NEaUSP4YerM>
- ICA (Independent Component Analysis)
- UMAP: Uniform Manifold Approximation and Projection for Dimension Reduction.
 - Basado geometría de Riemann y topología algebraica: <https://www.youtube.com/watch?v=nq6iPZVUxZU>



dcc

CIENCIAS DE LA COMPUTACIÓN
UNIVERSIDAD DE CHILE

www.dcc.uchile.cl

f @ in  / DCCUCHILE