

Docimasia de Hipótesis

Hipótesis estadística es una afirmación respecto de una característica poblacional (forma de ella o valor de sus parámetros); esta sentencia puede ser “docimada” (probada) en base a una muestra aleatoria extraída de esa población.

En muchas ocasiones es necesario decidir entre una afirmación de la forma $\theta = \theta_0$ (Hipótesis nula) u otra que puede tomar las siguientes formas $\theta \neq \theta_0, \theta > \theta_0, \theta < \theta_0$ (Hipótesis alternativa). En símbolos:

$$H_0 : \theta = \theta_0$$

$$H_1 : \theta \neq \theta_0$$

ó

$$H_1 : \theta > \theta_0$$

ó

$$H_1 : \theta < \theta_0$$

Necesitamos desarrollar un procedimiento que nos permita tomar una decisión acerca de H_0 , como esta decisión es tomada en base a información muestral está sujeta a errores probables, debido a que no se sabe cómo es realmente la naturaleza pues sólo tenemos una percepción de ella, cruzando este efecto con la decisión tenemos:

		Estado de la naturaleza	
		H_0 es Verdad	H_0 es Falsa
Percepción de la naturaleza	Rechazar H_0	Error tipo I	Decisión correcta
	No rechazar H_0	Decisión correcta	Error tipo II

Deseamos que los errores no se cometan, pero como la decisión será tomada bajo incertidumbre, sólo podemos pedir que la probabilidad de cometerlos sea pequeña.

La filosofía para docimar consiste en suponer que H_0 es verdadera, hasta encontrar evidencia muestral suficiente que permita decir lo contrario, si esta evidencia no existe no podemos dudar de la afirmación contenida en H_0 . Así el error más grave que se puede cometer es el Error tipo I, que es el que tratamos de controlar. Llamando:

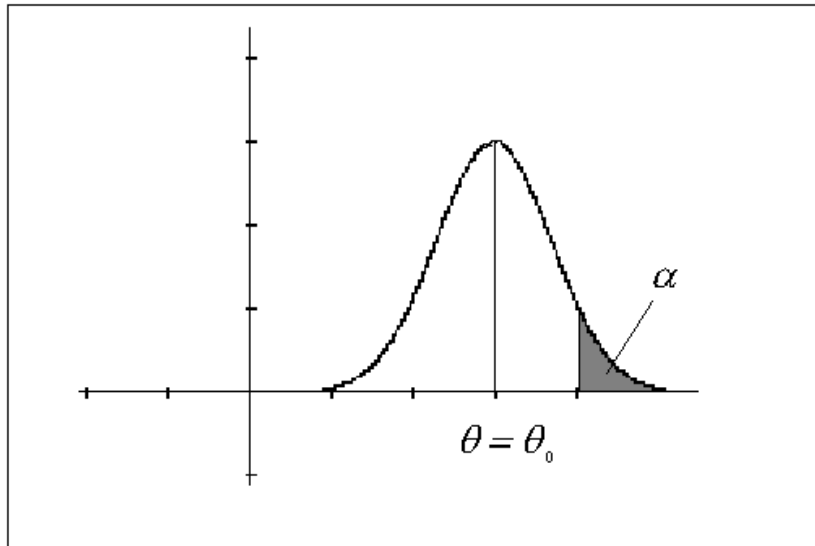
$$\alpha = P(\text{Rechazar } H_0 \mid H_0 \text{ es Verdad}), \text{ tamaño del Error tipo I}$$

$$\beta = P(\text{No rechazar } H_0 \mid H_0 \text{ es Falsa}), \text{ tamaño del Error tipo II}$$

nos interesa que α sea pequeño α se llama significación de la dócima y $1-\beta$ se llama potencia de la dócima, la potencia depende de la hipótesis alternativa que estemos proponiendo y puede interpretarse como el grado de credibilidad que le asignamos a la hipótesis alternativa.

Se llama estadística de prueba, E , a una función que contenga el parámetro de interés (que se desea docimar) y toda la información muestral. Deseablemente la estadística de prueba, bajo la hipótesis nula, debe seguir una distribución de probabilidades conocida.

Se llama región crítica o de rechazo, aquella porción de los reales para la cual la probabilidad de que E esté en ella, considerando la veracidad de H_0 , sea menor que α .

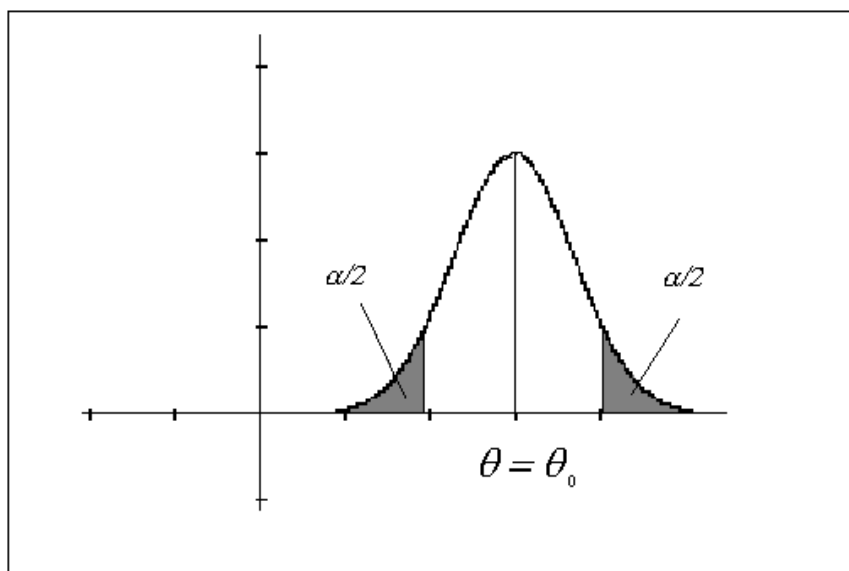


- Una dócima de la forma:

$$H_0 : \theta = \theta_0$$

$$H_1 : \theta \neq \theta_0$$

se llama de “dos colas” pues la región de rechazo, se compone de dos porciones de los reales inconexas, que se muestran en el siguiente gráfico:



- Una dcima de la forma:

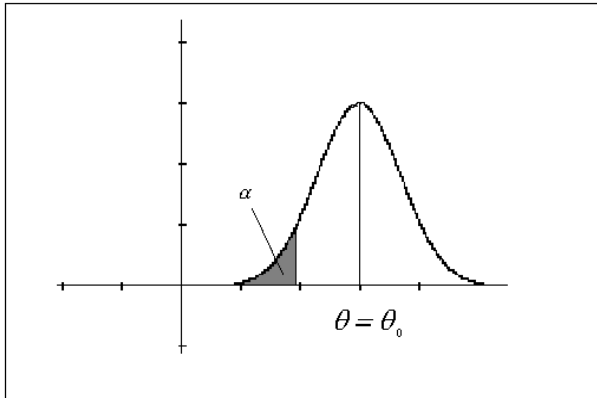
$$H_0 : \theta = \theta_0$$

$$H_1 : \theta > \theta_0$$

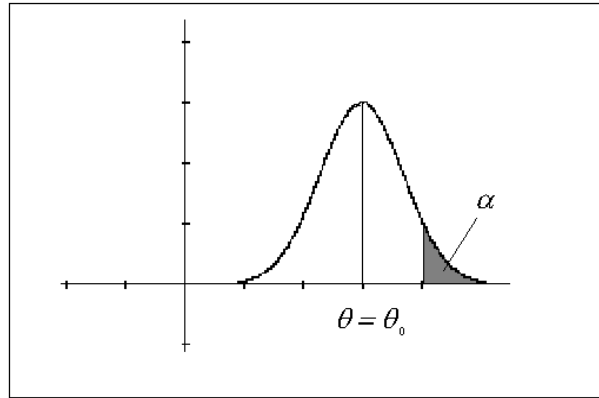


$$H_1 : \theta < \theta_0$$

se llama de "una cola" pues la regin de rechazo, se compone de una porcin de los reales conexa, como se muestra a continuacin:



$$H_1 : \theta < \theta_0$$



$$H_1 : \theta > \theta_0$$

- Dóxicimas respecto de promedios:

<i>Hipótesis Nula</i>	Estadística de Prueba	Distribución de la estadística de prueba
$H_0 : \mu = \mu_0$	$\frac{\bar{X} - \mu_0}{\frac{S}{\sqrt{n}}}$	$t_{(n-1)}$
$H_0 : \mu_x - \mu_y = 0$	$\frac{\bar{X} - \bar{Y}}{S_c \sqrt{\frac{1}{n_x} + \frac{1}{n_y}}}$ $S_c = \sqrt{\frac{(n_x - 1)S_x^2 + (n_y - 1)S_y^2}{n_x + n_y - 2}}$	$t_{(n_x + n_y - 2)}$

- Dóxicimas respecto de varianzas:

<i>Hipótesis Nula</i>	Estadística de Prueba	Distribución de la estadística de prueba
$H_0 : \sigma^2 = \sigma_0^2$	$\frac{(n - 1)S^2}{\sigma_0^2}$	$\chi_{(n-1)}^2$
$H_0 : \frac{\sigma_x^2}{\sigma_y^2} = 1$	$\frac{S_x^2}{S_y^2}$	$F_{(n_x - 1, n_y - 1)}$

- Dóxicimas respecto de proporciones:

<i>Hipótesis Nula</i>	Estadística de Prueba	Distribución de la estadística de prueba
$H_0 : P = P_0$	$\frac{p - P_0}{\sqrt{\frac{P_0 Q_0}{n}}}$	$N(0,1)$
$H_0 : P_x - P_y = 0$	$\frac{p_x - p_y}{\sqrt{PQ\left(\frac{1}{n_x} + \frac{1}{n_y}\right)}}$ $P = \frac{n_x p_x + n_y p_y}{n_x + n_y}$	$N(0,1)$

Las docimas anteriores en STATA:

Usando la base de datos stress_cortisol.dta, que contiene la siguiente informacion:

```

obs:          500
vars:         7                               22 Apr 2009 17:48
size:        16,000 (99.9% of memory free)
-----

```

variable name	storage type	display format	value label	variable label
id	float	%9.0g		identificador
region	float	%9.0g		region
sexo	float	%9.0g		0: masc 1: fem
edad	float	%9.0g		anos cumplidos
stress	float	%9.0g		0: sin stress 1: con stress
cortisol	float	%9.0g		nivel de cortisol en mmg
exam	float	%9.0g		0:neg 1:pos

Docimar:

a) $H_0: \mu_{edad} = 30$ anos

```

. tttest edad=30

One-sample t test
-----
Variable |      Obs      Mean   Std. Err.   Std. Dev.   [95% Conf. Interval]
-----+-----
      edad |       500     49.55   .3551158    7.94063    48.85229    50.24771
-----+-----
      mean = mean(edad)                                t = 55.0525
Ho: mean = 30                                         degrees of freedom = 499

      Ha: mean < 30                Ha: mean != 30                Ha: mean > 30
Pr(T < t) = 1.0000                Pr(|T| > |t|) = 0.0000                Pr(T > t) = 0.0000

```

b) $H_0: \mu_{edad \text{ en hombres}} = \mu_{edad \text{ en mujeres}}$

```

. tttest edad, by(sexo)

Two-sample t test with equal variances
-----
Group |      Obs      Mean   Std. Err.   Std. Dev.   [95% Conf. Interval]
-----+-----
      0 |       240     49.2875   .4923962    7.628169    48.31751    50.25749
      1 |       260     49.79231   .5101405    8.225768    48.78776    50.79686
-----+-----
combined |       500     49.55   .3551158    7.94063    48.85229    50.24771
-----+-----
      diff |           -.5048077   .711154                -1.90204    .8924244
-----+-----
      diff = mean(0) - mean(1)                                t = -0.7098
Ho: diff = 0                                         degrees of freedom = 498

      Ha: diff < 0                Ha: diff != 0                Ha: diff > 0
Pr(T < t) = 0.2391                Pr(|T| > |t|) = 0.4781                Pr(T > t) = 0.7609

```

c) $H_0: P_{\text{proporción de stress}} = 0.5$

. prtest stress=.5

One-sample test of proportion stress: Number of obs = 500

Variable	Mean	Std. Err.	[95% Conf. Interval]	
stress	.092	.0129256	.0666662	.1173338

p = proportion(stress) z = -18.2463
 Ho: p = 0.5

Ha: p < 0.5 Ha: p != 0.5 Ha: p > 0.5
 Pr(Z < z) = 0.0000 Pr(|Z| > |z|) = 0.0000 Pr(Z > z) = 1.0000

d) $H_0: P_{\text{proporción de stress en hombres}} = P_{\text{proporción de stress en mujeres}}$

. prtest stress, by(sexo)

Two-sample test of proportion 0: Number of obs = 240
 1: Number of obs = 260

Variable	Mean	Std. Err.	z	P> z	[95% Conf. Interval]	
0	.0791667	.0174283			.0450077	.1133256
1	.1038462	.0189191			.0667655	.1409269
diff	-.0246795	.0257231			-.0750959	.0257369
	under Ho:	.025872	-0.95	0.340		

diff = prop(0) - prop(1) z = -0.9539
 Ho: diff = 0

Ha: diff < 0 Ha: diff != 0 Ha: diff > 0
 Pr(Z < z) = 0.1701 Pr(|Z| < |z|) = 0.3401 Pr(Z > z) = 0.8299

e) $H_0: \frac{\sigma_{\text{edad en hombres}}^2}{\sigma_{\text{edad en mujeres}}^2} = 1$

. sdtest edad, by(sexo)

Variance ratio test

Group	Obs	Mean	Std. Err.	Std. Dev.	[95% Conf. Interval]	
0	240	49.2875	.4923962	7.628169	48.31751	50.25749
1	260	49.79231	.5101405	8.225768	48.78776	50.79686
combined	500	49.55	.3551158	7.94063	48.85229	50.24771

ratio = sd(0) / sd(1) f = 0.8600
 Ho: ratio = 1 degrees of freedom = 239, 259

Ha: ratio < 1 Ha: ratio != 1 Ha: ratio > 1
 Pr(F < f) = 0.1181 2*Pr(F < f) = 0.2362 Pr(F > f) = 0.8819

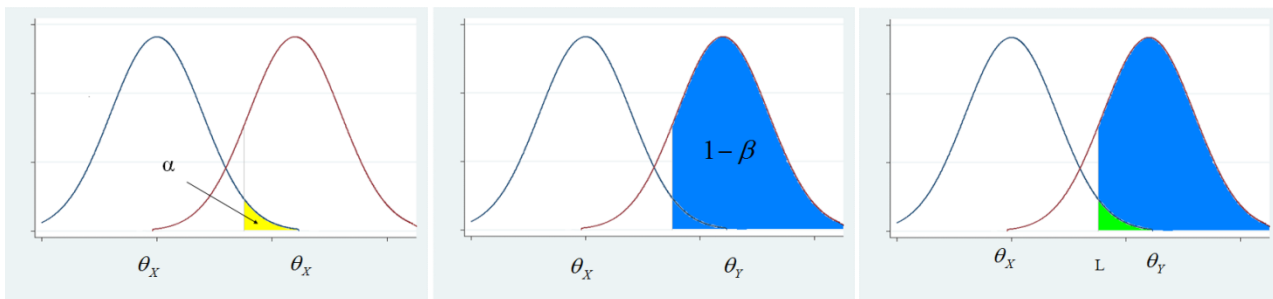
El tamaño de la muestra para detectar diferencias de promedios o proporciones en muestras independientes

Como ya hemos visto, si $\hat{\theta}$ es el estimador del parámetro θ , la varianza del estimador involucra al tamaño de la muestra "n", para el caso del promedio muestral su varianza es $\frac{\sigma^2}{n}$, y, para el caso de la proporción muestral su varianza es $\frac{p(1-p)}{n}$. Con estas consideraciones supongamos que se desea encontrar el número de sujetos necesarios a reclutar en dos grupos para hacer la siguiente dócima:

$$H_0: \theta_X - \theta_Y = 0$$

$$H_1: \theta_X - \theta_Y = \delta$$

Es decir deseamos detectar una diferencia de " δ ", con una significación " α " y una potencia " $1-\beta$ ". Sin pérdida de generalidad, supongamos que $\delta < 0$ (es decir θ en la población X es más pequeño que en la población Y", gráficamente el escenario es el siguiente:



Entonces:

Bajo H_0 y bajo H_1 tenemos respectiva mente :

$$\hat{\theta}_X \approx N(\theta_X, \text{Var}(\hat{\theta}_X))$$

$$\hat{\theta}_Y \approx N(\theta_Y, \text{Var}(\hat{\theta}_Y))$$

$$P(\hat{\theta}_X > L) = \alpha \quad \text{y} \quad P(\hat{\theta}_Y < L) = \beta$$

por lo tanto :

$$\frac{L - \theta_X}{\sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_X)}} = z_{1-\alpha} \quad \text{y} \quad \frac{L - \theta_Y}{\sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_Y)}} = z_\beta$$

de donde :

$$\theta_X + z_{1-\alpha} \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_X)} = \theta_Y + z_\beta \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_Y)}$$

$$\theta_X - \theta_Y = z_\beta \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_Y)} - z_{1-\alpha} \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_X)}$$

Igualdades de oro :

$$\delta = z_\beta \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_Y)} - z_{1-\alpha} \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_X)}$$

si $\theta_X > \theta_Y$

$$\delta = z_\alpha \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_X)} - z_{1-\beta} \cdot \sqrt{\text{Var}(\hat{\theta}_Y)}$$

De estas igualdades de oro despejamos el tamaño de muestra requerido por grupo, que incluso lo supondremos, en forma general, distinto en cada grupo (diseño des balanceado), es decir supondremos que:

$$\frac{n_Y}{n_X} = r \text{ (ratio of sample size), lo que implica } n_Y = r \cdot n_X$$

Así tenemos:

- I. El tamaño de muestra para detectar una diferencia de medias:

$$H_0: \mu_X - \mu_Y = 0$$

$$H_1: \mu_X - \mu_Y = \delta$$

Aquí $\hat{\theta}_X = \bar{X} \rightarrow Var(\hat{\theta}_X) = \frac{\sigma^2}{n_X}$ y $\hat{\theta}_Y = \bar{Y} \rightarrow Var(\hat{\theta}_Y) = \frac{\sigma^2}{n_Y} = \frac{\sigma^2}{r \cdot n_X}$, (suponemos que σ^2 es la misma para la población X y en la población Y) poniéndolos en la primera igualdad de oro, tenemos:

$$\delta = z_\beta \cdot \sqrt{\frac{\sigma^2}{r \cdot n_X}} - z_{1-\alpha} \cdot \sqrt{\frac{\sigma^2}{n_X}} = \frac{\sigma}{\sqrt{n_X}} \left(z_\beta \cdot \sqrt{\frac{1}{r}} - z_{1-\alpha} \right)$$

De donde:

$$n_X \geq \left(\frac{\sigma}{\delta} \right)^2 \cdot \left(z_\beta \cdot \sqrt{\frac{1}{r}} - z_{1-\alpha} \right)^2, n_Y = r \cdot n_X$$

Obviamente que si se diseña un estudio balanceado, $r=1$, y el tamaño de muestra por grupo es:

$$n_{por\ grupo} \geq \left(\frac{\sigma}{\delta} \right)^2 \cdot (z_\beta - z_{1-\alpha})^2$$

Ejemplo: Supongamos que deseamos detectar una diferencia de 5 puntos entre dos grupos (promedio en el grupo 1 es 55 y en el grupo 2 es 50), desviación estándar común es 10, con significación del 5% y potencia del 80%, y:

- a) Razón de 2:1 en las muestras:

```
. sampsi 55 50, sd1(10) sd2(10) alpha(0.05) power(.80) ratio(2) onesided
```

Estimated sample size for two-sample comparison of means

Test Ho: m1 = m2, where m1 is the mean in population 1
and m2 is the mean in population 2

Assumptions:

```
alpha = 0.0500 (one-sided)
power = 0.8000
m1 = 55
m2 = 50
sd1 = 10
sd2 = 10
n2/n1 = 2.00
```

Estimated required sample sizes:

```
n1 = 38
n2 = 76
```

- b) Razón de 1:1 en las muestras:

```
. sampsi 55 50, sd1(10) sd2(10) alpha(0.05) power(.80) ratio(1) onesided
```

Estimated sample size for two-sample comparison of means

Test Ho: $m_1 = m_2$, where m_1 is the mean in population 1
and m_2 is the mean in population 2

Assumptions:

```
alpha = 0.0500 (one-sided)
power = 0.8000
m1 = 55
m2 = 50
sd1 = 10
sd2 = 10
n2/n1 = 1.00
```

Estimated required sample sizes:

```
n1 = 50
n2 = 50
```

II. El tamaño de muestra para detectar una diferencia de proporciones:

$$H_0: P_X - P_Y = 0$$

$$H_1: P_X - P_Y = \delta$$

Con un razonamiento análogo al anterior, para muestras balanceadas se encuentra:

$$n_{\text{por grupo}} \geq \frac{\left(z_{\alpha} \sqrt{P_X Q_X} + z_{1-\beta} \sqrt{P_Y Q_Y} \right)^2}{\delta^2}$$

Ejemplo: Se desea probar si el tratamiento A tiene una proporción de mejoría de un 87% versus el placebo que tiene una proporción de mejoría del 65%. ¿Cuántos pacientes habrá que aleatorizar por grupo? Si se desea una significación del 1% y una potencia del 99%

```
. sampsi .87 .65, alpha(0.01) power(.99) onesided
```

Estimated sample size for two-sample comparison of proportions

Test Ho: $p_1 = p_2$, where p_1 is the proportion in population 1
and p_2 is the proportion in population 2

Assumptions:

```
alpha = 0.0100 (one-sided)
power = 0.9900
p1 = 0.8700
p2 = 0.6500
n2/n1 = 1.00
```

Estimated required sample sizes:

```
n1 = 167
n2 = 167
```

Dóxicimas de normalidad para variables continuas

Ya hemos dicho que el test t-Student, se sustenta sobre la normalidad de la variable que se desea docimar, por lo tanto es de sumo interés saber si este supuesto puede ser descartado o no, con este propósito, se introducen las dóxicimas de normalidad. En todas ellas la hipótesis nula es que la variable en estudio tiene una distribución normal. Stata provee de algunos test para este efecto, los más conocidos son:

- El test de Shapiro-Wilk
- El test de Shapiro-Francia
- El S-K test

Ejemplo: Usando la base de datos stress_cortisol.dta, docimar la normalidad de la variable edad:

```
. swilk edad
```

Shapiro-Wilk W test for normal data					
Variable	Obs	W	V	z	Prob>z
edad	500	0.99883	0.395	-2.234	0.98725

```
. sfrancia edad
```

Shapiro-Francia W' test for normal data					
Variable	Obs	W'	V'	z	Prob>z
edad	500	0.99886	0.409	-2.053	0.97998

```
. sktest edad
```

Skewness/Kurtosis tests for Normality				
Variable	Pr(Skewness)	Pr(Kurtosis)	adj chi2 (2)	joint Prob>chi2
edad	0.681	0.565	0.50	0.7774

Nociones de inferencia no paramétrica

¿Qué ocurre cuando el supuesto de normalidad no se satisface y la muestra es pequeña? O cuándo la variable no es de naturaleza numérica y es sólo ordinal. En estos casos está la alternativa no paramétrica, que la presentaremos en una secuencia de ejemplos.

1. Consideremos la siguiente situación: Se desea analizar un estudio clínico para comparar la respuesta de un opioide ante dolor de naturaleza oncológica. El diseño es antes-después, es decir se “mide” la sensación de dolor antes de administrar el tratamiento y luego de ser administrado. La cuantificación de la sensación de dolor fue medida a través de la escala EVA. Además se necesita comparar la respuesta según sexo del paciente.

Los datos se encuentran en la base EVA.dta

```
obs:      30
vars:      4          4 Jan 2006 09:53
size:     510 (99.9% of memory free)
```

variable name	storage type	display format	value label	variable label
pac	float	%9.0g		
EVAinicial	float	%9.0g		
EVAfinal	float	%9.0g		
sexo	byte	%8.0g	0:hombres 1:mujeres	

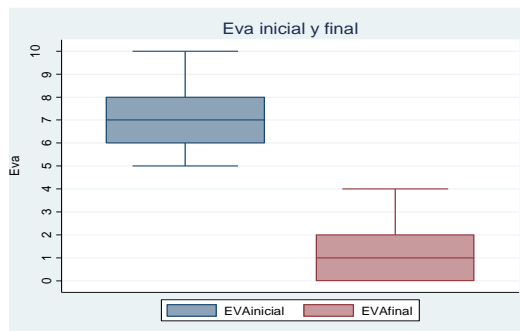
Sorted by: pac

Estadísticas descriptivas:

```
. tabstat EVAinicial EVAfinal, stat(n min q max) col(stat)
```

variable	N	min	p25	p50	p75	max
EVAinicial	30	5	6	7	8	10
EVAfinal	30	0	0	1	2	4

```
graph box EVAinicial EVAfinal, ytitle(Eva) ylabel(0(1)10) title(Eva inicial y final)
```



Evaluación del cambio de EVA:

```
. gen difEVA= EVAfinal- EVAinicial
```

```
. tabstat difEVA, stat(n min q max) col(stat)
```

variable	N	min	p25	p50	p75	max
difEVA	30	-10	-7	-6	-4	-1

Para evaluar el cambio de EVA se usa el test de Wilcoxon

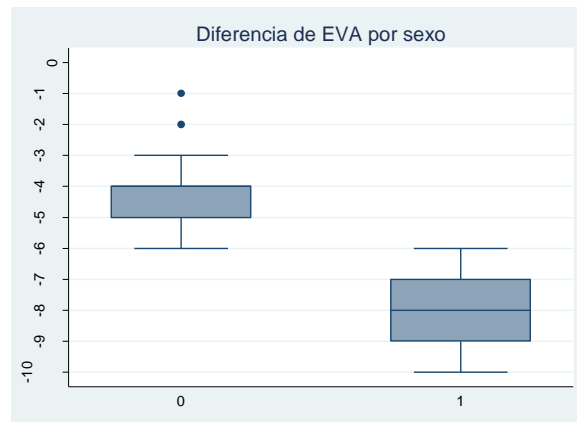
```
. signrank EVAinicial= EVAfinal
Wilcoxon signed-rank test
      sign |      obs   sum ranks   expected
-----+-----
      positive |      30      465      232.5
      negative |       0       0      232.5
      zero |       0       0       0
-----+-----
      all |      30      465      465
unadjusted variance      2363.75
adjustment for ties      -10.88
adjustment for zeros      0.00
-----
adjusted variance      2352.88
Ho: EVAinicial = EVAfinal
      z = 4.793
      Prob > |z| = 0.0000
```

```
. signrank difEVA=0
Wilcoxon signed-rank test
      sign |      obs   sum ranks   expected
-----+-----
      positive |       0       0      232.5
      negative |      30      465      232.5
      zero |       0       0       0
-----+-----
      all |      30      465      465
unadjusted variance      2363.75
adjustment for ties      -10.88
adjustment for zeros      0.00
-----
adjusted variance      2352.88
Ho: difEVA = 0
      z = -4.793
      Prob > |z| = 0.0000
```

El cambio de EVA por sexo

```
. signrank difEVA=0
Wilcoxon signed-rank test
      sign |      obs   sum ranks   expected
-----+-----
      positive |       0       0      232.5
      negative |      30      465      232.5
      zero |       0       0       0
-----+-----
      all |      30      465      465
unadjusted variance      2363.75
adjustment for ties      -10.88
adjustment for zeros      0.00
-----
adjusted variance      2352.88
Ho: difEVA = 0
      z = -4.793
      Prob > |z| = 0.0000
```

```
graph box difEVA, over(sexo) title(Diferencia de EVA por sexo ) ytitle(Diferencia de EVA) ylabel(-10(1)0)
```



Para evaluar el cambio de EVA por sexo se usa el test de Mann-Whitney

```
. ranksum difEVA, by( sexo)
Two-sample Wilcoxon rank-sum (Mann-Whitney) test
-----+-----
      sexo |      obs   rank sum   expected
-----+-----
          0 |       17     370     263.5
          1 |       13      95     201.5
-----+-----
    combined |       30     465     465
unadjusted variance      570.92
adjustment for ties      -11.05
-----+-----
adjusted variance      559.87
Ho: difEVA(sexo==0) = difEVA(sexo==1)
      z = 4.501
      Prob > |z| = 0.0000
```

- Dócima de independencia entre dos variables nominales:

Con frecuencia queremos averiguar si dos variables cualitativas X e Y están vinculadas. En cada unidad de observación se registra un par (x,y) de valores observados, en consecuencia a partir de lo obtenido en n unidades de observación, se obtiene una Tabla de Contingencia de s×r (tabla observada):

	X ₁	X ₂	...X _r	Total
Y ₁	O ₁₁	O ₁₂	O _{1r}	n _{1.}
Y ₂	O ₂₁	O ₂₂	O _{2r}	n _{2.}
...Y _s	O _{s1}	O _{s2}	O _{sr}	n _{s.}
Total	n _{.1}	n _{.2}	n _{.r}	n

Bajo la Hipótesis de independencia, estas frecuencias se pueden recalcular, creándose una Tabla Esperada:

	X ₁	X ₂	...X _r	Total
Y ₁	E ₁₁	E ₁₂	E _{1r}	
Y ₂	E ₂₁	E ₂₂	E _{2r}	
...Y _s	E _{s1}	E _{s2}	E _{sr}	
Total				n

Donde :

$$E_{ij} = \frac{n_{.j} \cdot n_{i.}}{n}$$

En estas condiciones, podemos plantear la Hipótesis Nula:

$$H_0 : X \text{ es independiente de } Y$$

Contrastada con la Hipótesis alternativa:

$$H_1 : X \text{ está asociada con } Y$$

La estadística de prueba es:

$$\sum_{ij} \frac{(O_{ij} - E_{ij})^2}{E_{ij}}$$

que sigue una distribución $\chi^2_{((s-1) \cdot (r-1))}$

. csi 40 3 1 1

	Exposed	Unexposed	Total
Cases	40	3	43
Noncases	1	1	2
Total	41	4	45
Risk	.9756098	.75	.9555556
	Point estimate	[95% Conf. Interval]	
Risk difference	.2256098	-.2013538	.6525733
Risk ratio	1.300813	.7372195	2.295266
Attr. frac. ex.	.23125	-.3564481	.5643206
Attr. frac. pop	.2151163		
chi2(1) = 4.37 Pr>chi2 = 0.0366			

- El Odds Ratio:

$$OR = \frac{\frac{A}{B}}{\frac{C}{D}} = \frac{AD}{BC}$$

. cci 40 3 1 1

	Exposed	Unexposed	Total	Proportion Exposed
Cases	40	3	43	0.9302
Controls	1	1	2	0.5000
Total	41	4	45	0.9111
	Point estimate	[95% Conf. Interval]		
Odds ratio	13.33333	.1276094	1070.974	(exact)
Attr. frac. ex.	.925	-6.836416	.9990663	(exact)
Attr. frac. pop	.8604651			
chi2(1) = 4.37 Pr>chi2 = 0.0366				

El test de Mantel-Haenszel

Supongamos que en un estudio transversal basado en una muestra aleatoria poblacional, se pregunta por la condición de diabético tipo 2, presencia de síndrome metabólico y sexo, se hace el siguiente análisis:

```
. cc SM DIABETES
```

	Exposed	Unexposed	Total	Proportion Exposed
Cases	117	341	458	0.2555
Controls	75	1113	1188	0.0631
Total	192	1454	1646	0.1166
	Point estimate		[95% Conf. Interval]	
Odds ratio	5.09173		3.675926	7.068656 (exact)
Attr. frac. ex.	.8036031		.7279597	.8585304 (exact)
Attr. frac. pop	.2052873			

chi2(1) = 118.67 Pr>chi2 = 0.0000

Al estratificar por sexo:

```
. cc SM DIABETES if sexo==0
```

	Exposed	Unexposed	Total	Proportion Exposed
Cases	48	119	167	0.2874
Controls	28	485	513	0.0546
Total	76	604	680	0.1118
	Point estimate		[95% Conf. Interval]	
Odds ratio	6.986795		4.08771	12.03549 (exact)
Attr. frac. ex.	.8568729		.7553643	.9169124 (exact)
Attr. frac. pop	.2462868			

chi2(1) = 68.81 Pr>chi2 = 0.0000

```
. cc SM DIABETES if sexo==1
```

	Exposed	Unexposed	Total	Proportion Exposed
Cases	69	222	291	0.2371
Controls	47	628	675	0.0696
Total	116	850	966	0.1201
	Point estimate		[95% Conf. Interval]	
Odds ratio	4.152961		2.72903	6.341228 (exact)
Attr. frac. ex.	.759208		.6335695	.8423018 (exact)
Attr. frac. pop	.1800184			

chi2(1) = 53.98 Pr>chi2 = 0.0000

A la luz de estos resultados, ¿hay evidencia para creer en la interacción con sexo? Este problema lo resuelve el test de Mantel-Haenszel, cuya hipótesis nula es la “homogeneidad” de los OR:

```
. cc SM DIABETES, by(sexo)

0: Hombre 1: Muj |      OR      [95% Conf. Interval]  M-H Weight
-----+-----
          0 |  6.986795   4.08771  12.03549         4.9 (exact)
          1 |  4.152961   2.72903   6.341228       10.80124 (exact)
-----+-----
      Crude |  5.09173   3.675926  7.068656         (exact)
M-H combined |  5.037336   3.679703  6.895871
-----+-----
Test of homogeneity (M-H)      chi2(1) =      2.49  Pr>chi2 = 0.1148

      Test that combined OR = 1:
      Mantel-Haenszel chi2(1) =    118.07
      Pr>chi2 =      0.0000
```

El p-value en negritas indica que no hay suficiente evidencia para creer que el riesgo de presencia de diabetes para el síndrome metabólico sea distinto por sexo.